

課題名	ロングリードを用いたキク属モデル系統のゲノム解析
課題管理者	草場 信 広島大学 大学院理学研究科附属植物遺伝子保管実験施設
実施期間	2018 年度
概要・実施体制	キク属モデル系統として開発したキクタニギク自家和合性純系系統 Gojo-0 について PacBio Sequel によるロングリード・Hi-C によるスキャフォールディングなどにより高精度全ゲノム塩基配列を取得する。
成果	